

## ➔ Utiliser le logiciel *Anagène2*

*Anagène2* est un logiciel qui permet, comme le logiciel *GenieGen 2*, de **visualiser et comparer des séquences de nucléotides**.

### Méthode

#### 1. Ouvrir des séquences de la banque de données.

##### Possibilité 1

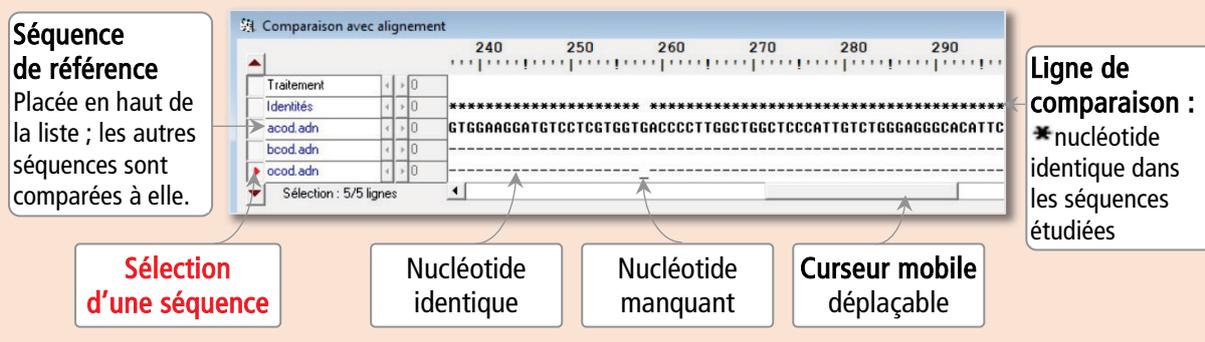
Dans le menu *Fichier*, cliquer sur l'icône **Banque de séquences** , sélectionner le pack, puis les séquences du pack souhaitées, et cliquer sur « OK ».

##### Possibilité 2

Dans le menu *Fichier*, cliquer sur *Ouvrir*, puis suivre le chemin indiqué par le professeur.

#### 2. Comparer les séquences.

- Sélectionner les séquences à comparer, puis cliquer sur l'icône **Comparaison** .
- Choisir :
  - « **Comparaison simple** » si les séquences étudiées ont la même longueur ;
  - « **Alignement avec discontinuité** » si les séquences étudiées ont des longueurs différentes.
- Cliquer sur « OK » : une fenêtre de comparaison apparaît.



**Séquence de référence**  
Placée en haut de la liste ; les autres séquences sont comparées à elle.

**Ligne de comparaison :**  
\* nucléotide identique dans les séquences étudiées

**Sélection d'une séquence**

**Nucléotide identique**

**Nucléotide manquant**

**Curseur mobile déplaçable**

### Remarque

L'icône **Informations**  permet d'obtenir des informations sur la séquence sélectionnée.